

# 数理生物学演習

## 第12回 疫学モデル

林玲奈 (Hayashi, Rena)

✉ [rena.hayashi.route66@gmail.com](mailto:rena.hayashi.route66@gmail.com)

理学部生物学科4年

## 第5回：疫学モデル

### 本日の目標

- SIRモデルの解析
- 基本再生産数
- ウイルス感染動態のモデルを知る

# Kermack-McKendricのSIRモデル

仮定

- 人々を感受性(susceptible, S), 感染性(infectious, I), 回復・隔離(recovered/removed, R)の3状態のいずれかにある
- 感染症は感染している人と未感染の人が接触したとき, ある確率でうつる
- 感染から回復すると免疫をもち, 再び感染することはない
- 移入・移出, 出生・死亡などによる“人口の増減”はない

感受性 S  
今後感染しうる人

感染 ↓

感染性 I  
現在感染しており  
他者を感染さえる人

回復・隔離 ↓

回復・隔離 R  
一度感染し, その後回復/隔離  
され, 今後感染せず, また他  
者を感染させることもない人

$$\frac{dS}{dt} = -\beta S(t)I(t)$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S(t)I(t) - \gamma I(t)$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma I(t)$$

$\beta$ : 伝達係数  
 $\gamma$ : 回復率・隔離率

“人口の増減なし”

$$N(t) = S(t) + R(t) + I(t) \text{ とすると } \frac{dN}{dt} = 0$$

## 基本再生産数

- 1人の感染者が, 感染期間中に再生産する2次感染者の期待値のこと
- 基本再生産数を  $r_0$  とすれば, もし  $r_0 > 1$  ならば感染症の流行が起こる

SIRモデルを仮定して, 感染初期について基本再生産数を考えてみる

初期条件を  $I(0) = I_0, S(0) = S_0, R(0) = R_0$  とする.  
感染症が出現したごく初期において全人口のほとんどは感受性Sで占められているとすれば, 感染性Iのダイナミクスは

$$\frac{dI}{dt} = (\beta S_0 - \gamma)I(t) \text{ となる.}$$

これを解くと

$$I(t) = I_0 e^{\lambda_0 t} \quad \text{ただし } \lambda_0 = \beta S_0 - \gamma$$

よって  $\lambda_0 > 0$  の場合に感染症の流行が起こる.

整理すると  $\frac{\beta S_0}{\gamma} > 1$

つまり, この左辺が基本再生産数  $r_0 = \frac{\beta S_0}{\gamma}$

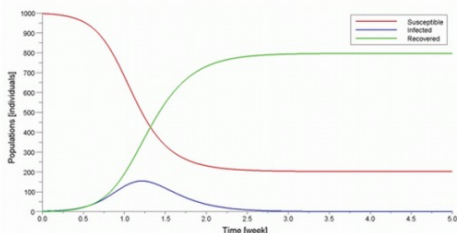
$\gamma$  は回復・隔離率なので逆数  $T = \frac{1}{\gamma}$  は回復・隔離までの期間の期待値になる.  
これを使って書き直すと

$$r_0 = 1 + \lambda_0 T \text{ となる}$$

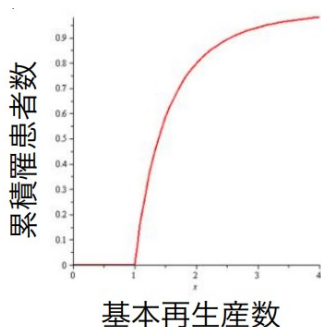
$\lambda_0$  と  $T$  は実際のデータから推定しやすいケースが多い.

# 最終規模方程式(final size equation)

感染症の流行が起きた場合でも全ての人 が罹患するわけではなく、流行は自然 に収束する



基本再生産数の関数として、累積罹患患者数  $R(\infty)$  を計算すると以下ようになる。



$(S(0), I(0), R(0)) = (S_0, 0, 0)$  として  
最終規模  $z = \frac{R(\infty)}{S_0}$  と基本再生産数  $R_0$  の  
関係を考える

$$\begin{aligned} \frac{dS}{dt} &= -\beta S(t)I(t) \\ \frac{dI}{dt} &= \beta S(t)I(t) - \gamma I(t) \\ \frac{dR}{dt} &= \gamma I(t) \end{aligned} \longrightarrow I(t) = \frac{1}{\gamma} \frac{dR(t)}{dt}$$

代入して  $\frac{dS}{dt} = -\beta S(t) \frac{1}{\gamma} \frac{dR(t)}{dt}$

$$\frac{1}{S(t)} \frac{dS(t)}{dt} = -\frac{\beta}{\gamma} \frac{dR(t)}{dt}$$

両辺を0から $\infty$ まで積分して

$$\ln(S(\infty)) - \ln(S(0)) = -\frac{\beta}{\gamma} (R(\infty) - R(0))$$

$$S(0) = S_0, R_0 = 0, S(\infty) = (1 - z)S_0, R(\infty) = zS_0, R_0 = \frac{\beta S_0}{\gamma}$$

**最終規模方程式**  $1 - z = \exp(-zR_0)$

感受性  $s$   
今後 感染しうる人

感染 ↓

感染性  $I$   
現在感染しており  
他者を感染さえる人

回復・隔離 ↓

回復・隔離  $R$   
一度感染し、その後回復/隔離  
され、今後感染せず、また他  
者を感染させることもない人

$$\frac{dS}{dt} = -\beta S(t)I(t)$$

$$\frac{dI}{dt} = \beta S(t)I(t) - \gamma I(t)$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma I(t)$$

$\beta$  : 伝達係数  
 $\gamma$  : 回復率・隔離率

初期値  
 $S(0) = S_0$   
 $I(0) = I_0$   
 $R(0) = R_0$

第4回の資料をもとに  
オイラー法で離散化して  
プログラムを組んでみよう。

# オイラー法 Euler's method

- 計算機は直接は微分や積分ができない
- 微分方程式を（時間方向に）離散化し計算機が扱えるようにする

目的

微分方程式

$$\frac{dx}{dt} = f(x, t) \dots (1)$$

を数値的に解きたい.

微分の定義から

$$\frac{dx}{dt} = \lim_{\Delta t \rightarrow 0} \frac{x(t + \Delta t) - x(t)}{\Delta t}$$

なので、 $\Delta t$  が十分に小さければ、

(1) は近似的に

$$f(x, t) \approx \frac{x(t + \Delta t) - x(t)}{\Delta t}$$

変形すると

$$x(t + \Delta t) \approx x(t) + f(x, t)\Delta t$$

$x(0) = x_0$ とし、

$x_1 (= x(\Delta t)), x_2 (= x(2\Delta t)), \dots, x_n (= x(n\Delta t))$ を考えると

$$x_n \approx x_{n-1} + f(x_{n-1}, t_{n-1})\Delta t$$

ただし、 $t_n = \Delta t \cdot n$

ここで

$$X_n = X_{n-1} + f(X_{n-1}, t_{n-1})\Delta t$$

として、この  $X_n$  を  $x_n$  の近似値として採用する.

- 時間方向の刻み幅  $\Delta t$  を小さくすることである程度誤差を小さくできる
- オイラー法はあまり精度の良い近似法ではない

最終的なプログラムは

前回の差分方程式と似たものになる<sup>16</sup>

2021年度 数理生物学演習第4回スライドより

# 指数増殖の離散化

指数増殖

$$\frac{dx}{dt} = ax$$

微分の近似 ( $\Delta t$ は十分小さいとする)

$$\frac{dx}{dt} \approx \frac{x(t + \Delta t) - x(t)}{\Delta t}$$



$$ax(t) \approx \frac{x(t + \Delta t) - x(t)}{\Delta t}$$

式を整理

$$x(t + \Delta t) \approx x(t) + ax(t)\Delta t$$



$x(0) = x_0$ とし、 $x_1, x_2, \dots, x_n$   
また、 $t_n = \Delta t \cdot n$

$$x_{n+1} \approx x_n + ax_n\Delta t$$



$$X_{n+1} = X_n + aX_n\Delta t$$

susceptible, S についてオイラー法を用いて離散化

$$\frac{dS}{dt} = -\beta S(t)I(t)$$

微分の近似 ( $\Delta$ は十分小さいとする)

$$\frac{dS}{dt} \approx \frac{S(t + \Delta t) - S(t)}{\Delta t}$$

$$-\beta S(t)I(t) \approx \frac{S(t + \Delta t) - S(t)}{\Delta t}$$

式を整理

$$S(t + \Delta t) \approx S(t) - \beta S(t)I(t)\Delta t$$

$x(0) = x_0$ とし,  $x_1, x_2, \dots, x_n$   
また,  $t_n = \Delta t \cdot n$

$$S_{n+1} \approx S_n - \beta S_n I_n \Delta t$$

$X_n$ を $S_n$ ,  $Y_n$ を $I_n$ ,  $Z_n$ を $R_n$ の近似値とすると

$$X_{n+1} = X_n - \beta X_n Y_n \Delta t$$

$$Y_{n+1} = Y_n + (\beta X_n Y_n - \gamma Z_n) \Delta t$$

$$Z_{n+1} = Z_n - \gamma Z_n \Delta t$$

実際にプログラムを書いてみよう！

### #12-01. モジュール・パッケージの読み込み

```
import math
import matplotlib.pyplot as plt
```

モジュールの読み込み

今回はplotするのでmatplotlibは必須

### #12-02. 初期値設定

```
beta = 0.002
gamma = 1
x0 = 1000
y0 = 1
z0 = 0
r0 = beta*x0/gamma
print("基本再生産数は", r0, "です")
```

### #時間幅の設定

```
dt = 0.01
t = 0
```

```
x = x0
y = y0
z = z0
```

```
tList = [t]
xList = [x]
yList = [y]
zList = [z]
```

初期値の設定

XがS YがI ZがR  
としてコードは書いている。

### #12-03. SIRモデル

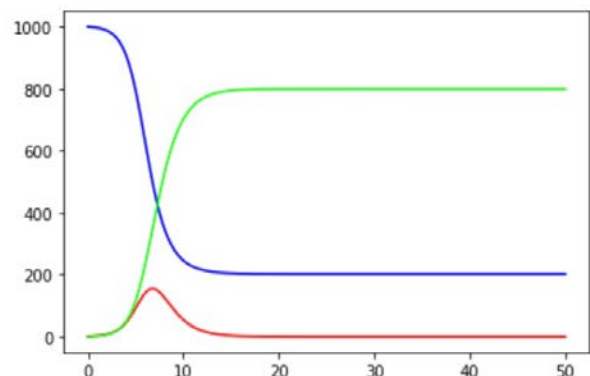
```
for i in range(5000):
    t = dt*(i+1)
    xx = x + dt*(-beta*x*y)
    yy = y + dt*(beta*x*y-gamma*y)
    zz = z + dt*(gamma*y)
    x = xx
    y=yy
    z=zz
    tList.append(t)
    xList.append(x)
    yList.append(y)
    zList.append(z)
```

SIRモデル

先程の離散化した式を使って  
コードに実装する

### #12-04. plot

```
plt.plot(tList, xList,
color="#0000ff")
plt.plot(tList, yList,
color="#ff0000")
plt.plot(tList, zList,
color="#00ff00")
```



#### #12-01. モジュール・パッケージの読み込み

```
import math
import matplotlib.pyplot as plt
```

#### #12-02. 初期値設定

```
beta = 0.002
gamma = 1
x0 = 1000
y0 = 1
z0 = 0
r0 = beta*x0/gamma
print("基本再生産数は", r0, "です")
```

#### #時間幅の設定

```
dt = 0.01
t = 0
```

```
x = x0
y = y0
z = z0
```

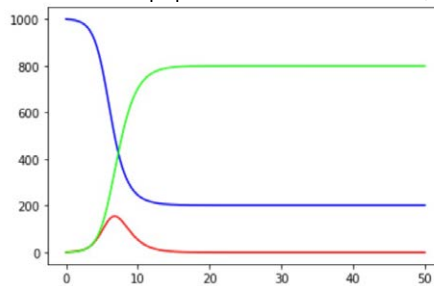
```
tList = [t]
xList = [x]
yList = [y]
zList = [z]
```

#### #12-03. SIRモデル

```
for i in range(5000):
    t = dt*(i+1)
    xx = x + dt*(-beta*x*y)
    yy = y + dt*(beta*x*y-gamma*y)
    zz = z + dt*(gamma*y)
    x = xx
    y=yy
    z=zz
    tList.append(t)
    xList.append(x)
    yList.append(y)
    zList.append(z)
```

#### #12-04. plot

```
plt.plot(tList, xList,
         color="#0000ff")
plt.plot(tList, yList,
         color="#ff0000")
plt.plot(tList, zList,
         color="#00ff00")
```



14時50分まで休憩

# 本日の課題

1. 資料中のパラメータの値で、 $t > 4$ で $\beta$ を半分に減らした時と減らさないときのSIRモデルを重ねてプロットし、総罹患者数の減少率を計算せよ。
2. 介入の方法を変更し、総罹患者数の減少率を計算し、その介入の実際の意味を考察せよ。
- ハード 3.  $R_0 > 1$ の場合に解析的に導出される基本再生産数と、SIRモデルの数値計算から十分に時間が経った時の総罹患者数から導出される基本再生産数を比較する図を作成し、最終規模方程式が（ほぼ）正しいことを確かめよ。
4. 質問，意見，要望等をどうぞ。

課題をノートブック（.ipynbファイル）にまとめて、Moodleにて提出すること  
ファイル名は[回数, 01~15]\_[難易度, ノーマル nかハード h].ipynb. 例. 07\_n.ipynb

## 本日の課題のヒント

1. 資料中の図を重ねてプロットします。十分時間が経った時の $R$ (残)を比較して、減少率を計算します。
2. 資料中では $\beta$ を半分にしていますが、他のパラメータを変えるような介入や、介入する時間を変えて計算してみてください。
3. 最終規模方程式を $R_0$ について解くと、十分な時間が経った時の $R(t)$  ( $=z$ ) から $R_0$ が計算できます。



研究の話

別のスライドへ