

数理生物学演習

第13回 がんの数理モデル

高木 舜晟 (Takaki, Mitsuaki)

✉ takaki.mitsuaki@gmail.com

システム生命科学府 数理生物学研究室

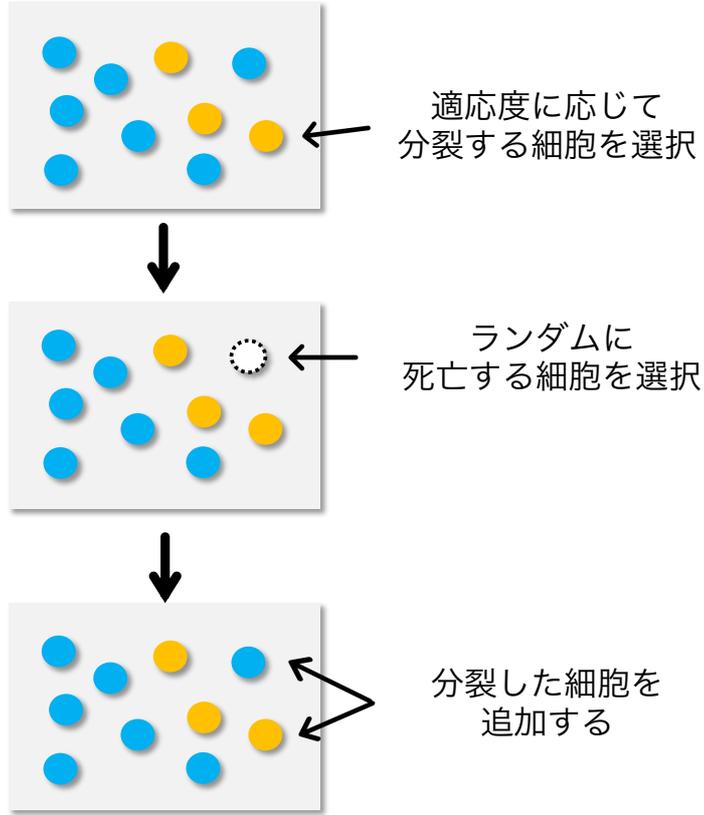
資料は <https://koji.noshita.net>

第13回：がんの数理モデル

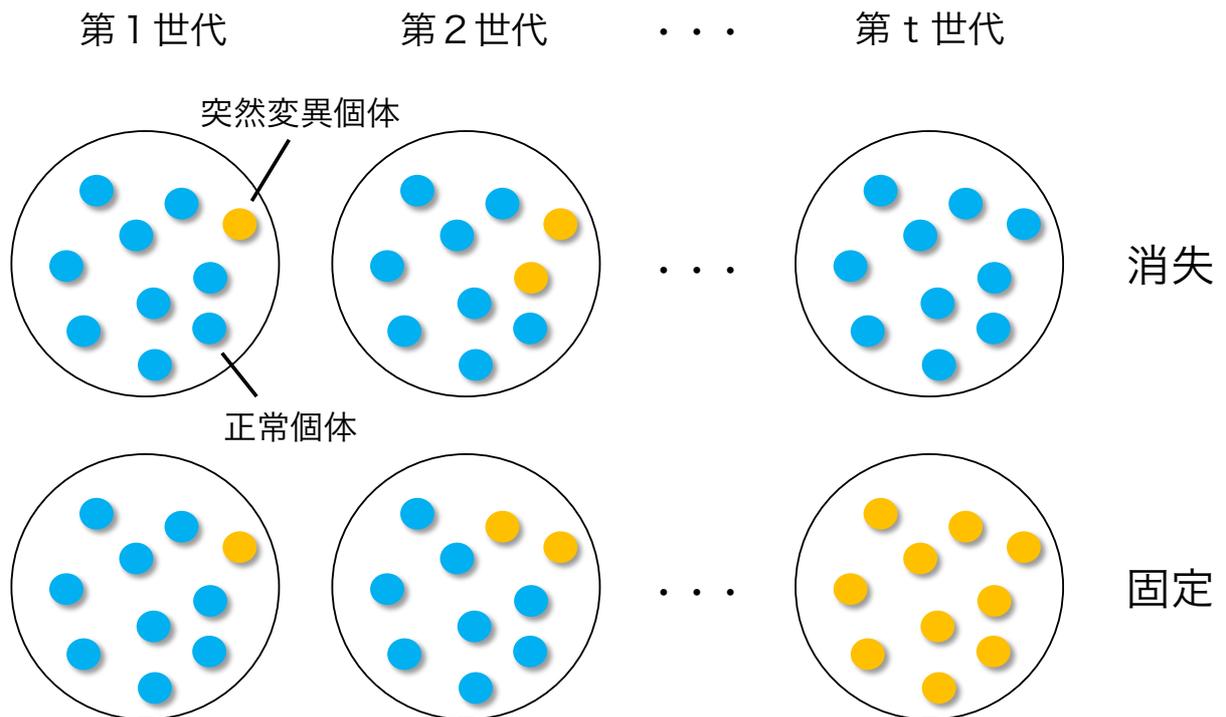
本日の目標

- ・ 突然変異の固定確率の導出
- ・ Moranプロセスの解析

モランプロセス

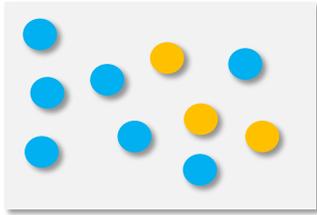


突然変異の集団への固定



分裂・死亡する細胞の選択

N個の細胞からなる集団



- 突然変異細胞の個数を*i*個とすると、
- 正常細胞の個数は(*N - i*)個

- が死亡細胞として選ばれる確率 : $\frac{i}{N}$
- が死亡細胞として選ばれる確率 : $\frac{(N-i)}{N}$

● が分裂細胞として選ばれる確率

中立の場合 : $\frac{i}{N} (= \frac{i}{(N-i)+i})$

相対的に *r* 倍だけ分裂しやすい場合 : $\frac{ri}{N-i+ri}$

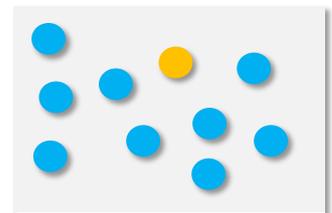
1つのがん細胞が集団に広がる確率 (固定確率)

V_i : *i* 個あるがん細胞がN個の集団で固定する確率

まず、微小時間 Δt で各イベントが起こる確率を考える

シミュレーション上の1ステップ

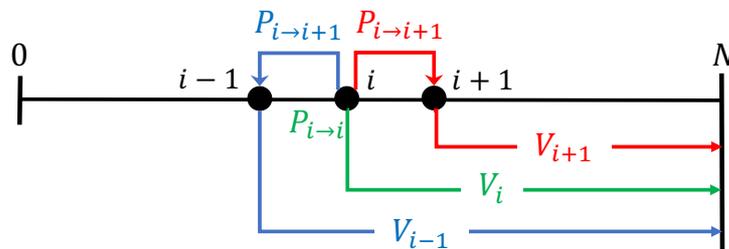
がん細胞増加	$P_{i \rightarrow i+1} = (N-i)\Delta t \cdot \frac{ri}{N-i+ri}$ <p style="text-align: center; margin: 0;"> 正常細胞が死亡 がん細胞が分裂 </p>
がん細胞減少	$P_{i \rightarrow i-1} = i\Delta t \cdot \frac{N-i}{N-i+ri}$ <p style="text-align: center; margin: 0;"> がん細胞が死亡 正常細胞が分裂 </p>
変化なし	$P_{i \rightarrow i} = 1 - (P_{i \rightarrow i+1} + P_{i \rightarrow i-1})$



1つのがん細胞が集団に広がる確率（固定確率）

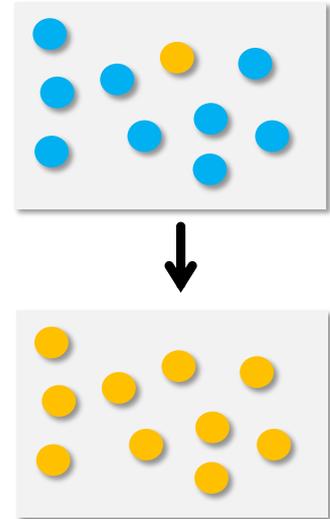
V_i : i 個あるがん細胞が N 個の集団で固定する確率

$$V_i = P_{i \rightarrow i+1} V_{i+1} + P_{i \rightarrow i-1} V_{i-1} + P_{i \rightarrow i} V_i$$



$$V_{i+1} - V_i = 1/r(V_i - V_{i-1}) \quad \text{ただし、} V_0 = 0, V_N = N$$

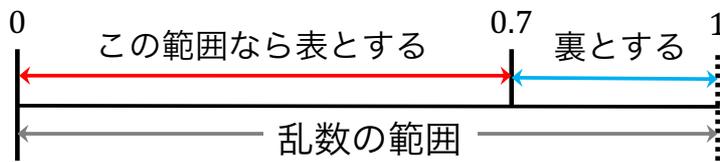
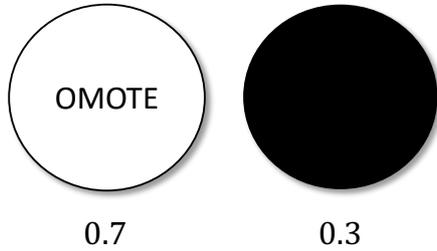
$$V_i = V_1 \frac{1 - (1/r)^i}{1 - 1/r} \quad V_1 = \frac{1 - 1/r}{1 - (1/r)^N}$$



実際にプログラムを組んでみよう!

発生するイベントの選び方

表裏の出る確率が均等ではないコイン



```
#コイントス
import random
def coin(rate, trials):
    """コイントス

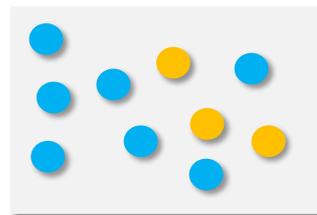
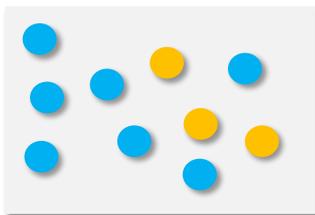
    複数回のコイントスで表が出る確率を返す関数

    Args:
        rate: コインを1回投げて表が出る確率
        trials: コイントスの回数

    Returns:
        a: 複数回のコイントスで表が出る確率

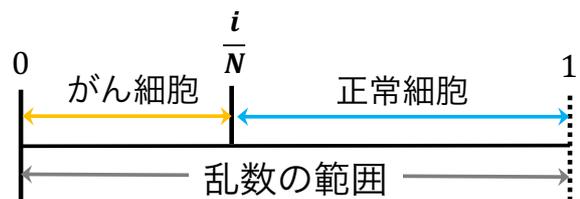
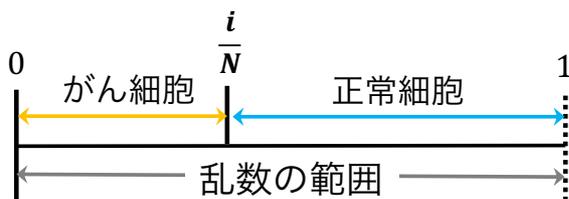
    """
    suc = 0
    for i in range(trials):
        toss = random.random()
        if toss >= 0 and toss < rate:
            suc += 1
    a = suc/trials
    return a
```

中立 ($r = 1$) の時のモランプロセス



- が死亡細胞として選ばれる確率: $\frac{i}{N}$
- が死亡細胞として選ばれる確率: $\frac{(N-i)}{N}$

- が分裂細胞として選ばれる確率: $\frac{i}{N}$
- が分裂細胞として選ばれる確率: $\frac{(N-i)}{N}$



中立 ($r = 1$) の時の Moran プロセス

```
# 中立な場合の Moran プロセス

import random
def moran(x0,x1):
    """ Moran プロセス

    Moran プロセスを実行し、固定の成否を返す関数

    Args:
        x0: 正常細胞の個数
        x1: がん細胞の個数

    Returns:
        suc: 突然変異個体が固定ならば1消失ならば0

    """
    suc=0

    for t in range(100000):

        N = x0 + x1
        g = random.random()
        d = random.random()
        gamma = 1.0*x0 + 1.0*x1

        if g >= 0 and g < 1.0*x0/gamma:
            if d >= x0/N and d < 1:
                x0 += 1 # x0=x0+1でも良い
                x1 -= 1

            elif g >= 1.0*x0/gamma and g < 1:
                if d >= 0 and d < x0/N:
                    x0 -= 1 # x0=x0-1でも良い
                    x1 += 1

        if x1==N:
            suc += 1
            break

        elif x1==0:
            suc+=0
            break

    return suc
```

本日の課題

注意：氏名, 学籍番号, 所属を必ず書く！

1. 中立な場合の Moran プロセス ($N=20$) を考える。がん細胞 (x_1) の初期値を5,10,15としたとき、それぞれの場合について複数回シミュレーションした時の固定確率を求めよ。またこの時、固定確率が (x_1 の初期値) / N となることを確かめよ。
2. 中立でない Moran プロセスを考える ($N=10$)。 r を0.8, 1.5, 2.5としたとき、それぞれの場合について、数式から固定確率 V_f を求めよ。また、この固定確率をシミュレーションでも求め、 V_f と比較せよ (それぞれの r に対し、試行回数は1000とする)。
3. 2.を $N=100$ の場合についても行い、比較せよ。
- ハード 4. 正常細胞が分裂する際、娘細胞が変異率 m でがん細胞になるとする。 $N=100$, $r=1.0$, x_1 の初期値は1とし、 m を0.1~1.0まで0.1刻みで変化させた時の固定確率をプロットせよ (それぞれの m に対し、試行回数は1000とする)。
- ハード 5. P_f の導出における Δt を N を用いて表せ。また、なぜそのように表されるのか考察せよ。
6. 質問、意見、要望等をどうぞ。

課題をPDFファイルにまとめてMoodleにて提出すること

本日の課題のヒント

1. sucの合計を試行回数で割れば、それがそのまま固定確率になります。第6回の課題1の解答例で平均を求める関数(mean)が使われていますので、わからない人は参考にしてみてください。固定確率が(x1の初期値)/Nに近づかない場合は、試行回数を増やしてみましょう。
2. 数式に関しては、 V_1 の計算式にNとrを代入してください。シミュレーションについて、1.ではがん細胞のrを1.0で計算しています。該当箇所を変えてみてください。
4. どちらの細胞が分裂するかを選ぶときにif文の分岐を使用しましたが、x0が分裂細胞に選ばれた際、さらに「その娘細胞が変異するかどうか」という分岐が必要になります。
5. この Δt は、シミュレーション上の1ステップが現実の1世代に対してどれくらいの長さなのかを表す値です。モランプロセスでは、Nがいかなる値でも、細胞は1ステップで1つしか死にません。現実では、集団内の全細胞が入れ替わるまでが1世代です。